



Christoph Schomburg and Birgit Gemeinholzer
B.Gemeinholzer@uni-kassel.de
Department for Botany,
Heinrich-Plett-Straße 40, 34132 Kassel

guter Datendokumentation:

Best-Practice Empfehlungen!



DFG Deutsche
Forschungsgemeinschaft



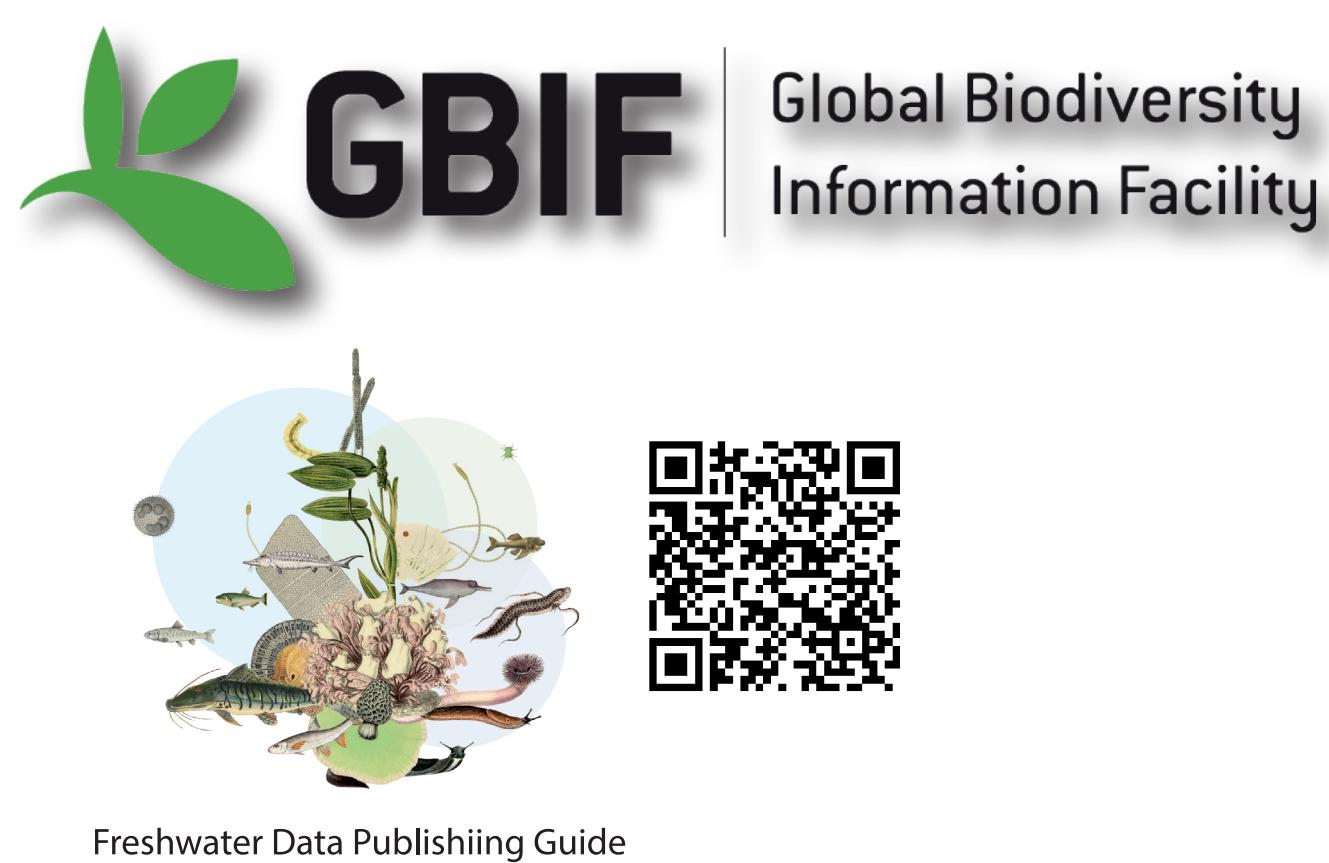
Genetische Monitoringdaten müssen...

- FAIR, gut beschrieben und kontextualisiert werden, um in einem sinnvollen Zusammenhang auch zukünftig weiterverwendet werden zu können.
- müssen durch die Verwendung von Standards im (inter)nationalen Kontext vernetzbar sein
- bedürfen automatisierter Workflows zur Qualitätssicherung, Analyse, Datenhinterlegung und Beschreibung
- langzeitverfügbar zugänglich sein



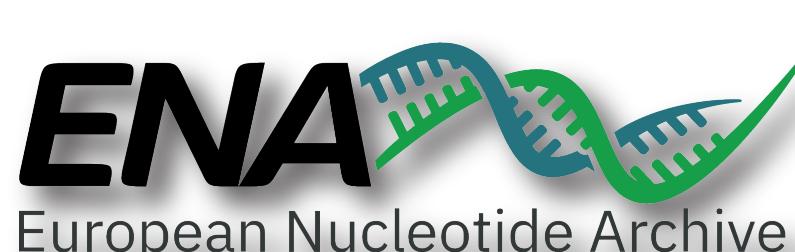
Was gibt es schon...

Empfehlungen für Standards zur Datenpublikation:

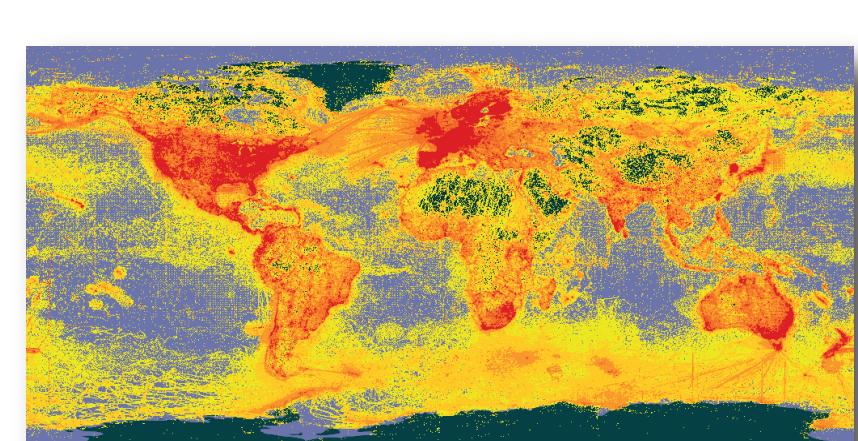


Internationale Repositorien und Vernetzungsplattformen:

Für Sequenzrohdaten:

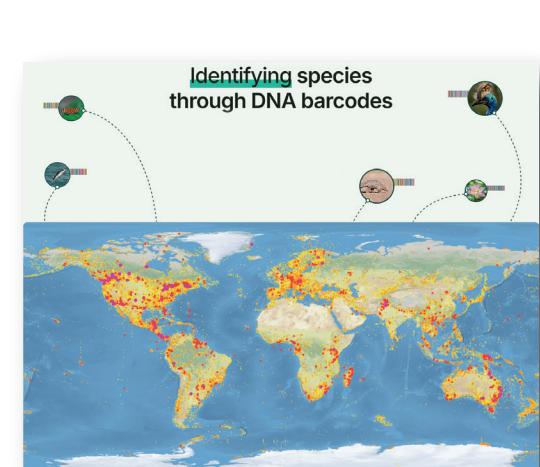


Für Vorkommensdaten mit gefilterten Sequenzen:

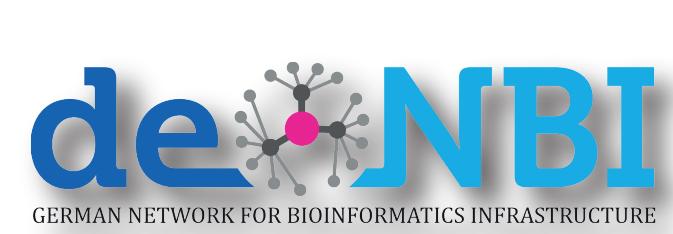


Für Voucher und Referenzsequenzen:

BOLD SYSTEMS



Cloudcomputing - zur Analyse:



EUROPEAN OPEN
SCIENCE CLOUD



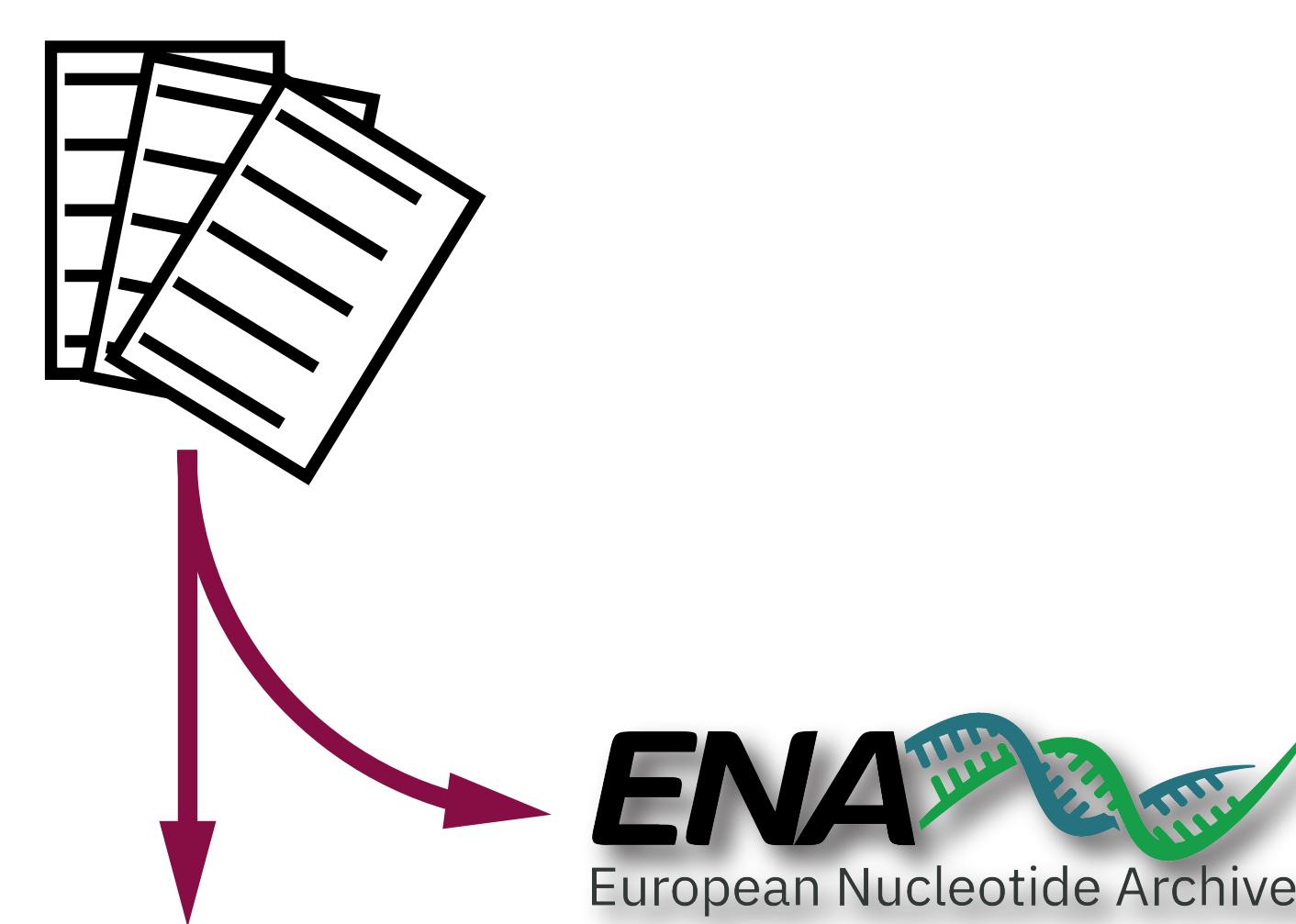
ASV Registry für analysierte Daten und Referenzen:



Was ist im Aufbau...

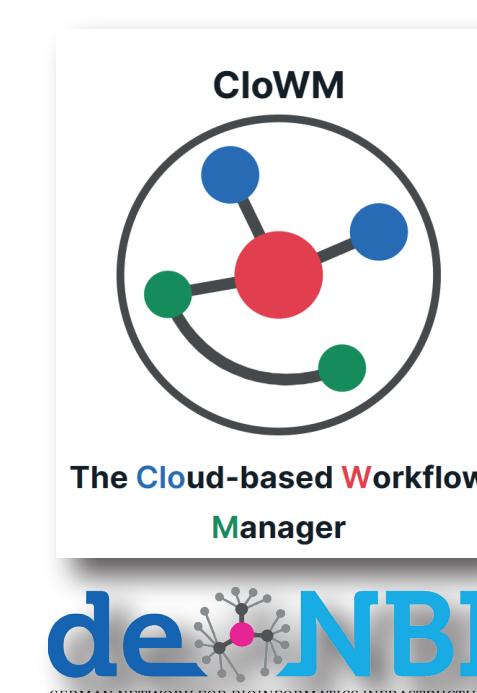
Pipelines:

Vorlagen für die relevanten Metadaten



Rohsequenzen

Datenanalyse via Cloudcomputing



The Cloud-based Workflow Manager

de.NBI

ASV Registrierung und taxonomische Zuordnung



Automatische Veröffentlichung zu GBIF



Beispiel:



National:



International:

